



ΑΝΑΡΤΗΤΕΑ ΣΤΟ ΔΙΑΔΙΚΤΥΟ

ΕΛΛΗΝΙΚΗ ΔΗΜΟΚΡΑΤΙΑ  
ΥΠΟΥΡΓΕΙΟ ΑΓΡΟΤΙΚΗΣ ΑΝΑΠΤΥΞΗΣ ΚΑΙ ΤΡΟΦΙΜΩΝ  
ΓΕΝΙΚΗ ΔΙΕΥΘΥΝΣΗ ΓΕΩΡΓΙΑΣ  
ΔΙΕΥΘΥΝΣΗ ΠΟΛΛΑΠΛΑΣΙΑΣΤΙΚΟΥ ΥΛΙΚΟΥ  
ΚΑΛΛΙΕΡΓΟΥΜΕΝΩΝ ΦΥΤΙΚΩΝ ΕΙΔΩΝ ΚΑΙ  
ΦΥΤΟΓΕΝΕΤΙΚΩΝ ΠΟΡΩΝ  
ΤΜΗΜΑ ΠΟΛΛΑΠΛΑΣΙΑΣΤΙΚΟΥ ΥΛΙΚΟΥ ΔΕΝΔΡΩΔΩΝ  
ΚΑΙ ΑΜΠΕΛΟΥ

Αθήνα, 02/12/2024  
Αρ. Πρωτ.: 378146

Ταχ. Δ/ση: Καπνοκοπτηρίου 6  
Ταχ. Κωδ.: 10433, Αθήνα  
Πληροφορίες: Γρ. Πρ/νου Δ/νσης  
Τηλ.: 2108205351  
E – Mail: [skosmas@minagric.gr](mailto:skosmas@minagric.gr)

**ΘΕΜΑ:** Τροποποίηση της υπ' αρ. 2955/120333/26.10.2016 απόφασης του Αναπληρωτή Υπουργού Αγροτικής Ανάπτυξης και Τροφίμων «Τεχνικός Κανονισμός σε συμμόρφωση προς την εκτελεστική οδηγία 2014/97/ΕΕ της επιτροπής, της 15ης Οκτωβρίου 2014, για την εφαρμογή της οδηγίας 2008/90/ΕΚ του συμβουλίου όσον αφορά την εγγραφή των προμηθευτών σε μητρώο, την καταχώριση των ποικιλιών και τον κοινό κατάλογο ποικιλιών (ΕΕ L 298, 16-10-2014, σ. 16)» (Β' 3603).

**Ο ΥΦΥΠΟΥΡΓΟΣ**

**ΑΓΡΟΤΙΚΗΣ ΑΝΑΠΤΥΞΗΣ ΚΑΙ ΤΡΟΦΙΜΩΝ**

Έχοντας υπόψη:

1. Τις διατάξεις:

α) Της παρ. 3 του άρθρου 6, της παρ. 3 του άρθρου 7 και της παρ. 6 του άρθρου 16 του ν. 1564/1985 «Οργάνωση παραγωγής και Εμπορίας του πολλαπλασιαστικού υλικού φυτικών ειδών» (Α' 164),

β) Της περ. α' του άρθρου 62 του ν. 4235/2014 «Διοικητικά μέτρα, διαδικασίες και κυρώσεις στην εφαρμογή της ενωσιακής και εθνικής νομοθεσίας στους τομείς των τροφίμων, των ζωοτροφών και της υγείας και προστασίας των ζώων και άλλες διατάξεις αρμοδιότητας του Υπουργείου Αγροτικής Ανάπτυξης και Τροφίμων» (Α' 32),

γ) του άρθρου 90 του Κώδικα της νομοθεσίας για την Κυβέρνηση και τα κυβερνητικά όργανα (π.δ. 63/2005, Α' 98), το οποίο διατηρήθηκε σε ισχύ με την περ. 22 του άρθρου 119 του ν. 4622/2019 (Α' 133).

2. Το π.δ. 97/2017 «Οργανισμός Υπουργείου Αγροτικής Ανάπτυξης και Τροφίμων» (Α' 138).

3. Την υπ' αρ. 2749/01.11.2024 κοινή απόφαση του Πρωθυπουργού και του Υπουργού Αγροτικής Ανάπτυξης και Τροφίμων «Ανάθεση αρμοδιοτήτων στον Υφυπουργό Αγροτικής Ανάπτυξης και Τροφίμων, Διονύσιο Σταμενίτη» (Β' 6049).

4. Τη γνώμη της Τεχνικής Επιτροπής Πολλαπλασιαστικού Υλικού (Τ.Ε.Π.Υ.) του άρθρου 20 του ν. 1564/1985, όπως αυτή διατυπώνεται στο από 24.10.2024 πρακτικό συνεδρίασής της.
5. Το γεγονός ότι από τις διατάξεις της απόφασης αυτής δεν προκαλείται δαπάνη σε βάρος του κρατικού προϋπολογισμού,

### ΑΠΟΦΑΣΙΖΟΥΜΕ

#### Άρθρο 1

#### Τροποποίηση της υπ' αρ. 2955/120333/26.10.2016 απόφασης (εθνικές διατάξεις)

Η υπ' αρ. 2955/120333/26.10.2016 απόφαση του Αναπληρωτή Υπουργού Αγροτικής Ανάπτυξης και Τροφίμων, τροποποιείται ως ακολούθως:

1. Ο τίτλος του άρθρου 7 αντικαθίσταται ως εξής:

«Άρθρο 7

Εξέταση των αιτήσεων

(Άρθρο 6 της Οδηγίας 2014/97/ΕΕ και εθνικές διατάξεις)»

2. Η παρ. 2 του άρθρου 7 αντικαθίστανται ως εξής:

«2. Για τον καθορισμό της επίσημης περιγραφής της ποικιλίας διενεργούνται δοκιμές καλλιέργειας και εργαστηριακές δοκιμές για την εξέταση των μοριακών δεικτών (DN<sup>2</sup> πολυμορφισμών) των φυτικών ειδών του παραρτήματος.

Ωστόσο, όταν ο αιτών υποβάλλει πληροφορίες σύμφωνα με την περ. α' της παρ. 3 του άρθρου 6 και το Τμήμα Ελέγχου Ποικιλιών Καλλιεργούμενων Φυτών θεωρεί ότι οι πληροφορίες αυτές αποδεικνύουν ότι πληρούνται οι όροι καταχώρισης που προβλέπονται στο άρθρο 5, δεν διενεργούνται δοκιμές καλλιέργειας. Όταν διενεργούνται δοκιμές καλλιέργειας και εργαστηριακές δοκιμές, το Τμήμα Ελέγχου Ποικιλιών Καλλιεργούμενων Φυτών ζητεί δείγμα του υλικού της ποικιλίας.»

3. Η παρ. 4 του άρθρου 7 τροποποιείται ως εξής:

α) Το εισαγωγικό εδάφιο της παρ. 4 αντικαθίσταται ως εξής:

«4. Όσον αφορά τον σχεδιασμό της δοκιμής, τις συνθήκες καλλιέργειας, τα χαρακτηριστικά της ποικιλίας και τους πολυμορφισμούς του DN<sup>2</sup> των φυτικών ειδών του παραρτήματος που πρόκειται να εξεταστούν, οι δοκιμές καλλιέργειας και οι εργαστηριακές δοκιμές διενεργούνται, κατ' ελάχιστον, σύμφωνα με τις ακόλουθες διατάξεις:».

β) Μετά την περ. γ) της παρ. 4, προστίθεται περ. δ) ως εξής:

«δ) Οι DN<sup>2</sup> πολυμορφισμοί για τα φυτικά είδη του παραρτήματος χρησιμοποιούνται συμπληρωματικά των χαρακτηριστικών που περιλαμβάνονται στα πρωτόκολλα και στις κατευθυντήριες οδηγίες των περ. α), β) και γ). Μετά την καταχώριση της ποικιλίας ως ποικιλίας με επίσημη περιγραφή στο μητρώο ποικιλιών του άρθρου 4, οι DN<sup>2</sup> πολυμορφισμοί μπορούν να χρησιμοποιηθούν για τον έλεγχο της πιστότητας στην περιγραφή της ποικιλίας του πολλαπλασιαστικού υλικού των φυτικών ειδών του παραρτήματος, σύμφωνα με τα άρθρα 6, 8, την παρ. 3 του άρθρου 16, την παρ. 3 του άρθρου 21 και το άρθρο 26 της υπ' αρ.

218/8241/24.01.2017 (Β' 267) απόφασης του Υπουργού και του Υφυπουργού Αγροτικής Ανάπτυξης και Τροφίμων.»

4. Μετά το άρθρο 12 προστίθεται παράρτημα ως εξής:

«Παράρτημα (εθνικές διατάξεις)

**Μοριακοί δείκτες (DNA πολυμορφισμοί)**

Φυτικό Είδος	Μοριακοί Δείκτες (SSR – markers)	Βιβλιογραφική αναφορά	Ονομασία Μοριακού Δείκτη	Αλληλουχίες εκκινητών (5' → 3')
<i>Prunus domestica</i> (δαμασκηλιά)	9 SSR markers	<a href="https://www.genresj.org/index.php/gri/article/view/genresj.2020.1.40-48/38">ECPGR recommended Simple Sequence Repeat loci for analyses of European plum (<i>Prunus domestica</i>) collections https://www.genresj.org/index.php/gri/article/view/genresj.2020.1.40-48/38</a>	BPPCT007, BPPCT014, BPPCT034, BPPCT039, BPPCT040, CPSC026, UDP96-005, UDP98-407 and Pac033	BPPCT007 F: TCCTTGCTCGTCCTCCGC R: CCGTTTCTGCGTTGCGGT BPPCT014 F: TTGTCTGCCTCTCTCTTCC R: CCGTCGCGGCTGCGGC BPPCT034 F: CTCTGCGGTTGCGGCCCT R: CCGTGGGCTGGGGTGC BPPCT039 F: TTTCGTCCCTGCTTCTCTGC R: GTGTCTGTGGTTGGGG BPPCT040 F: TTGGGCGTGTCTGTTGG R: CGCCCTCTTTCG CPSC026 F: TCTCTCGCTTTCGTC R: CGCCCGGGGGTTGT UDP96-005 F: GTTCGCTCGCTCCCG R: CCTGCTTCCCGCCG UDP98-407 F: CGCGCGGCTTTCCTC R: TCGCCGCTCCCGGC Pac033 F: TCGTCTCTCTCTGCTC R: CTGTGGCTCGGTTCC
<i>Malus domestica</i> (μηλιά)	18 SSRs	Recommended markers for apple ( <i>Malus</i> spp). The reference genotype (RG) is “Golden Delicious” (from Testolin et al., 2019); the annealing temperature (T) varies in the literature from 55 to 60°C and touchdown (td) protocols, with initial temperatures 2–4°C above those indicated have also been considered by some authors; linkage groups (LG) are reported according to the reference genome assembly; the apple genome assembly is SM211411v1.	Hi02c07, CH-Vf1, CH02c06, GD12, NZ01a6, CH05f06, CH03d07, CH04e05, CH01h10, CH01f03b, CH02c11, CH02d08, CH01f02, GD147, CH04c07, CH02c09, CH05e04, CH01h01	Hi02c07 F: GCGCTCGGGGTCCTT, R: GTTTGCTCCCGTTGGGG CH-Vf1 F: CTCCTCCGCGCGG, R: CTTCTCTCTCTCTCTCTCT CH02c06 F: TGGCGGTTCCCTCTCTGCG, R: GTTGCGCGCTTTTCTCT GD12 F: TTGGGTGTTTCTCCCTTGG, R: CTCTCGGCGCCGCTTTCTTT NZ01a6 F: GGGTTGCTGGGTTGGGG, R: TTGGCGCGCTCTTGTCTCT CH05f06 F: TTGGTCCGGTCTCTCCCT, R: TGGGGGGGCGGGGGGG CH03d07 F: CCGTCTGCGGCTCTGCT, R: GGCTTCTGCGCTGTTTCT CH04e05 F: GGGCTCCGTTGGTTGGTTGG, R: TGGCTCCTTTGGCTCTCT CH01h10 F: TGGCGGTTGGTTGGTTGGCG, R: GGGGGGTTGTTGTGCTC CH01f03b F: GGGGCGGTTGGGTTGGCG, R: CCCCCGGCTCCTTTCTCTC CH02c11 F: TGGGGGCGGTTCTCTGTGC, R: TTCCGGGTTCTCTCTCTC CH02d08 F: TCCGTTGGCGTCTCTCT, R: GCGGCTCTCTCTCTCTCTCT CH01f02 F: CCGCTTGGGCTTGGGG, R: CTGGTTGTTTCTCTCCGC GD147 F: TCCCGCTTTCTCTGC, R: GCGGCTGCTGCTGCTC CH04c07 F: GGCCTCTGTCTCGGG, R: CCTCTGCGCTCTCTCTC CH02c09 F: TTGTGCTCTTGTGCTCTCTC, R: GGGGCGGCGGGGGTTG CH05e04 F: GGGGGGGGCGGTGCTC, R: CTGGGTTGGGTTGTCTGG CH01h01 F: GGGGCTTGGGTTGGGG, R: GGGTGGGTTGGGGTT

<p><i>Pyrus communis</i> (αχλαδιά)</p>	<p>21 SSRs</p>	<p>Recommended markers for pear (<i>Pyrus</i> spp).The reference genotype is «William”(from Urrestarazu et al.,2015); the primers in the first list were transcribed either from the GDR database or from Zurn et al. (2020); those in the second list are from the GDR database;</p>	<p>All are included in the list suggested by Evans et al. (2009) and were previously agreed as being suitable by the European Cooperative Programme for Plant Genetic Resources. Most markers in this second set had been isolated in apple and were adopted in pear owing to their confirmed transferability (Liu et al., 2015; Montanari et al., 2020). Pear is mainly diploid (2n = 34), but most germplasm collections of European pears contain triploids, which are rather common in ancient cultivars and their offspring.</p>	<p>CH01d08 F: ctc cgc cgc tat aac act tc, R: tac tct gga ggg tat gtc aaa g CH01d09 F: gcc atc tga aca gaa tgt gc, R: ccc ttc att cac att tcc ag CH03d12 F: gcc cag aag caa taa gta aac c R: att gct cca tgc ata aag gg CH05c06 F: att gga act ctc cgt att gtg c R: atc aac agt agt ggt agc cgg t EMPC117 F: GTTCTTCTCCGCGCT R: CGTTGTGTGTTTTCGTGTTG GD147 5'TCCCGCCATTTCTCTGC 5'CCCGCTGCTGCTGC EMPC11 F: GCGTTGTTGTTCCCTCCCT R: TGCGCTGCTGGTTGGTGTT CH04e03 F: ttg aag atg ttt ggc tgt gc R: tgc atg tct ttc tcc at CH03g07 F: aat aag cat tca aag caa tcc g R: ttt ttc caa atc gac ttt cgt t CH01f07a F: ccc tac aca gtt tct caa ccc R: cgt ttt tgg agc gta gga ac NUpy26a F: GCTTCCGTTGCGCGCG R: TCCGTGTGTTTCCCTCGTGTT TsuENH046 F: GGTCCTCCCTTTCCCTCC R: GTGCCCTGTTGTTGTTGGTGG TsuENH089 F: TTCCTGCCCTTTTTCGTTGTC R: CCCCCTCTCTGTGTTGTTCTC TsuENH083 F: CTCTCCGCTTCTGTGCTG R: TGTGTTGTTGGTTGGTTGGTGC TsuENH076 F: CTTTCTCGCTGCTGTTTCTGC R: CTTGTTGGGGTGGGTTGT NUpy40d F: TCCCGCTTTCCCTGTTT R: CCGTCCGTGTTCTCTGTC TXY276 F: CCCTCGGTCTGTGTTCC R: TTGTGCTGGTTGCGTTG TXY144_347 F: GTTTCCTGCTTCCCTTGGTTCC R: TCTGCTCTTTCTCCCTCT TsuENH080_354 F: GCTCCCTCTGCTGTTCCG R: TTGTCTCTGCTGTTGTC TXY185 F: GGGGGTCCGCTGCTTT R: TGGTGTCTGCTGCTGTTGCT GD96 F: CGCGGGTGGCTCTCCT R: GCCGCCCTCTGTTCCG</p>
<p><i>Prunus</i> species (κερασιά, ροδακινιά, βερικοκιά)</p>	<p>13 SSRs</p>	<p>Cross-transferable polymorphic SSR loci in <i>Prunus</i> species <a href="https://www.sciencedirect.com/science/article/abs/pii/S0304423808004585?via%3Diuh">https://www.sciencedirect.com/science/article/abs/pii/S0304423808004585?via%3Diuh</a></p>	<p>BPPCT-002, BPPCT-004, BPPCT-007 BPPCT-010 BPPCT-014 BPPCT-026 CPPCT-006 pchcms5 ps08e08 ps12a02 UDP96-005 UDP98-409 UDP98-410</p>	<p>BPPCT-002 F: TCGCTGCTTCTTGTCC R: CTGTGCTCGGTGTTGTTGCTC BPPCT-004 F: CTGTGTCTCCCTTTGCTGG R: TGGGCTCTGCTCCTCTTTGTT BPPCT-007 F: TCTTGTCTGCTCTCCGC R: CTGTTTCTGTTGTTGCGGTG BPPCT-010 F: TGTGCTCGCTCCCTGTC R: GTCTGTTCTGCTGGGTTGTC BPPCT-014 F: TTGTCTGCTCTCTCTTCTCC R: CTTCGCTGTTGCTGTTGCTGC BPPCT-026 F: TCTCTTTGCTCTTGGC R: TGTTGTTGGTTGTTGCTGTTCT CPPCT-006 F: TTTTCTCCCTCGCTCC R: TTGGTTGCTTCTCTGTTG pchcms5 F: CGCCCTGCTGTTCTT R: GTCGTTGGTCTCCG ps08e08 F: CCCCTGTTCTCTGCTCT R: CTCTCTCTCTGCTGGTTG ps12a02 F: GCCCTCTGTTTCTTCC R: TGGCTGCTGCTGCTGCTCCT UDP96-005 F: GTCTCGCTGCTCCCTC R: CCTGCTCTCTCCCTG UDP98-409 F: GCTGTGGGTTTTTGGTTTTT R: CGGCTCTTCTCTCTCTCTC UDP98-410 F: TTTTCTCTCTGCTCCTC R: TTTGCTGTTTCTGCTCCG</p>

<p><i>Juglans regia</i> (καρυδιά)</p>	<p>15 SSRs</p>	<p>Analysis of genetic diversity and structure in a worldwide walnut (<i>Juglans regia</i> L.) germplasm using SSR markers <a href="https://journals.plos.org/plosone/article/file?type=printable&amp;id=10.1371/journal.pone.0208021">https://journals.plos.org/plosone/article/file?type=printable&amp;id=10.1371/journal.pone.0208021</a></p>	<p>WG001, WG004, WG009, WG027, WG069, WG072, WG202, WG276, WG349, WG376, JR0160, JR1739, JR1817, JR6160, JR6439</p>	<p>WG001 F TTTGGGGGGGGGGGGTG, R CGCGCCTTCGTTCCTC WG004 F TGTTGCCTTGCCCTTGT, R TGGCCCTTGTTGCTG WG009 F CTCCTGCTGCTGGG, R CCTTGCTCTGTGTTGGG WG027 F CCTCCTCGCCTGTG, R TGCTCGGCTCCCTTCC WG069 F TTGTTGGCCCTCCCG, R GGTGCCTGCTCCCTC WG072 F CCTCCCTCCCTGC, R CCCCTCCCTGCTCTCC WG202 F CCTCTCTCCGTGCTTT, R GCTGGTGTCTCTG WG276 F CTCCTTCTCGGCTTCC, R GGTCTTGTGGGCTGCTG WG349 F GTGGGGGTTTTTTTC, R CCTGTGCTGCTGCTG WG376 F GCCCTGTGTGCTG, R TCTCCCTTTTCCCTTCG JR0160 F TCTCGGTTGGGCTGTG, R TCCGGGCTCCTGCTTT JR1739 F GGTGTGGGGCGGCG, R CGTCCCTCCCTCCG JR1817 F CCTCGGCTCCCTCCTT, R GCTGCTGCTGCTG JR6160 F CTCTGCTCCCGCT, R TGGGGGGTCTCCGGT JR6439 F TCGTGCCTCTCCGTG, R CGGCTCCCTGCTC</p>
<p><i>Ficus carica</i> (συκιά)</p>	<p>13 SSRs</p>	<p>Assessment of genetic diversity of thirty Tunisian fig (<i>Ficus carica</i> L.) accessions using pomological traits and SSR markers <a href="https://link.springer.com/article/10.1007/s11033-020-06051-9">https://link.springer.com/article/10.1007/s11033-020-06051-9</a></p>	<p>MFC1, MFC2, MFC4 [49], LMFC15, LMFC18, LMFC21, LMFC23, LMFC24, LMFC27, LMFC28, LMFC30, LMFC31 and LMFC32 [48]</p>	<p>MFC1 F: CTGGCTGGCTGGCTGG, R: TGGTTGGGGGGGGCGG MFC2 F: GCTTCGGTGCTGCTT, R: TCGGGCTTTTGTCT MFC4 F: CCTCTTTTGTCTCT, R: TTTCTCTCTTTTCTGG LMFC15 F: CGGGGGGGTTTGGTTG, R: TTTCCGGGGGGGGTCT LMFC18 F: CCTCCCTCCCTGG, R: TCCCTGCTCCTCCCTT LMFC21 F: TGTCTCTCTCCGCT, R: TGGTGGGGGGCTGG LMFC23 F: TTTGCTGTCTCGTCCGG, R: CTCCCTCTCCCTC LMFC24 F: CTCTCTCTTTTGGT, R: TTTCTCTCTCTTTGTTG LMFC27 F: TTTCTCTCTTTTGTG, R: CCTTTGTCTCTCTCTT LMFC28 F: TGTTCCTTTCTTGT, R: TGGCTTGGCTCCG LMFC30 F: TGTCCGTTCTTCT, R: TCTTTTGGGGTGTG LMFC31 F: GTGGTGGGGTTGGT, R: TGGGGTGTGCT LMFC32 F: GGGGGGGTGTG, R: TTTGGGGGGGGTCTTGT</p>
<p><i>Olea europaea</i> (ελιά)</p>	<p>17 SSRs</p>	<p>Trujillo, I., Ojeda, M., Urdiroz, N.M., Potter, D., Barranco, D., Rallo, L. and Diez, C.M., 2014. Identification of the Worldwide Olive Germplasm Bank of Córdoba (Spain) using SSR and morphological markers. Tree Genetics &amp; Genomes, 10, pp.141-155.</p>	<p>larger set of 17 SSRs (UDO99-043, ssrOeU-DC9, ssrOeU-DC16, ssrOeU-DC3, G<sup>2</sup>PU101, ssrOeU-DC11, ssrOeU-DC4, G<sup>2</sup>PU103, UDO99-005, ssrOeU-DC18, ssrOeU-DC8, ssrOeU-DC10, G<sup>2</sup>PU82, UDO99-042 and ssrOeU-DC15)</p>	<p>OeU-DC3 F: cccaagcggagggtatattgtac, R: tgcctttgctgtttgagatgtg OeU-DC4 F: -cttaacttgctctccatattc, R: agtgacaaaagcaaaagactaaagc OeU-DC8 F: acaattcaacctccccatattc R: tcacgtcaactgtgcaactg OeU-DC9 F: aatcaagctctctctcatttcg R: gatcctccaaaagtataactctc OeU-DC10 F: cgtgaccactaaatccgccc R: ctgtccagagctaaaggttcg OeU-DC11 F: gatcaactactgacgagagag R: ttgtctcagtaaccctaaacc OeU-DC15 F: gatctgtctgtatattccacac R: tatacctttccatctgacgc OeU-DC16 F: ttagggtggattctgtagatggtg</p>

			<p>was needed to discriminate between 100 % of the accessions from the WOGB.</p>	<p>R: ttttagtgagttcatagaattagc                  OeU-DC18 F: -aagaaagaaaaaggcagaattaagc                  R: gtttcgtctctacataagtgc                  UDO99-005 F: TTCCTCTTGTTCCTTTTGTGGCTG                  R: TGGGGGGGGGGGGGGGGGGGG                  UDO99-042 F: CGGGCCCTCTGTGGGTC R:                  CCTCTGTCTCCGCTCTCTTT                  UDO99-043 F: TCGGCTTTTCCCCTTTT                  R: TGCCCTTTTGGGGGCTCT                  G2PU82 F: TGGCTCCTCCGTCCTGGG                  R: TGCTTTTGCCTCTTTGTTT                  G2PU89 F: GCTCTTCCCTCGGGG R:                  CCTCTGCCCCCTCTG                  G2PU101 CTGTGGGGGGGGGGCTT,                  R: GGCCTTGTGTGCTGTTG                  G2PU103 F: TGGTTTCTTTTCCCCTCT,                  R: GCCTCGCTCGTTTTTTTCC                  ssrOeIGP7 F: CTGTGGCTTTGGGGCG R:                  TTTCTGCTCCGGGG</p>
<p><i>Citrus spp.</i> (εσπεριδοειδή)</p>	<p>14 nSSRs and 14 cp SSRs</p>	<p>Genetic diversity and phylogenetic relationships among citrus germplasm in the Western Caucasus assessed with SSR and organelle DNA markers  <a href="https://doi.org/10.1016/j.scienta.2021.110355">https://doi.org/10.1016/j.scienta.2021.110355</a></p>	<p>CT01                  MB-3                  CCSM13                  CCSM17                  CCSM18                  CCSM147                  C24033                  CTG1006372                  T41                  T45                  G14                  GT03                  C01                  EST_SSR_5                  Organelle Marker                  CSL011                  SPCC1                  SPCC11                  nad7_1-2                  ccmp10.2                  CSS04                  CSL09                  SPCC9                  rrn5_rrn18-1                  CSS03                  ccmp2.2                  ccmp6.2                  nad2_4-3                  ccmp7.2</p>	<p>CT01 F: GCTTTCGCTCCCTCCCT,                  R: GCTCCCTCTCTCTTGGTCC                  MB-3 F: CCTCCTCTCGCCTC,                  R: CCGCCCTGTGGGGCC                  CCSM13 F: CTGGCCCTTCC,                  R: CTGCTCCCTGCTCC                  CCSM17 F: CTGGGGGGCTG,                  R: GTTGTGCTCGTCTGTGCC                  CCSM18 F: CTGTTGTGGGG,                  R: GTGTTGCTGGTGTCTG                  CCSM147 F: GCTGTGTGCTCGTCTG,                  F: GCTGTGTGCTCGTCTG                  C24033 F: GCGCTTCTGGGGGG,                  R: CGGCCTGGGGCTT                  CTG1006372 F: TCGCTGCTCCCTCC,                  R: GTGGGCTTGGGGCC                  T41 F: GGTCTCTTGGCTTGTG,                  R: CTGCTGTGCTTGTG                  T45 F: GCCTTTTCTCTGCTCGG,                  R: TCGCTTGTGTTGCG                  G14 F: GGGGGGGCCCTCTC,                  R: CTCCTTGGGGGTGTTG                  GT03 F: GCCTTGTGTTTCCGGC,                  R: TGCTCCGCTCTCTTGG,                  C01 F: TTTGCTCTCTTCTG,                  R: TTTTCTCCCTGCTCCG                  EST_SSR_5 F: GGGCTGCTGCTGCTG,                  R: CTTGGCCCTCTCTG                  Organelle Marker                  CSL01 F: CTGTGCTGTTTCCGTTCTG,                  R: CGGGCCCTTCTTTT                  SPCC1 F: CTCCCTGCTCGTGC,                  R: CTGCTCTCTTGTGCTG                  SPCC11 F: GGCTGGGCTGCT,                  R: GTTTGCTGGGGGG                  nad7_1-2 F: GGGCTGGGCTG,                  R: TTTGTTGGCTCGT                  ccmp10.2 F: TTTTTTTTGTGCTG,                  R: TTCGCCCGCTCTG                  CSS04 F: GTGGTGGGGCTCTG,                  R: TGGCTGGGGCCCG                  CSL09 F: CGCTGCTGCTGCT,                  R: CCTCTCTCTTGGGCT                  SPCC9 F: TGGGGGTTCTTTTCTG,                  R: CGCCCTCGGTCTT                  rrn5_rrn18-1 F: GGGTGTGCTGCTGCTG,                  R: GGGTGGGGTGGGTCGGG                  CSS03 F: TCTTCTCTCCGCTCC,                  R: GCGCGCTCTCTCTCT                  ccmp2.2 F: TCGTCCGGGTTCTG,                  R: GCTCCGGGCTTCCCG                  ccmp6.2 F: CGTGCCTGTGCTGCTGCTG,                  R: GCTGCTGCTGCTGCTGCTG</p>

				<p>R: CTTTCGTGCGCTTCTCT nad2_4-3 F: GTCCTTCCTCCTCTCCTC, R: TTCGTTCCTCGCC ccmp7.2 F: CTCCTTTTGTCTCTTTC, R: CCTCGTCTGCTGCTG</p>
<i>Pistacia vera</i> (κελυφωτό φυστίκι)	8 nSSRs	<p>Ziya Motalebipour, E., Kafkas, S., Khodaeiaminjan, M., Çoban, N. and Gözel, H., 2016. Genome survey of pistachio (<i>Pistacia vera</i> L.) by next generation sequencing: development of novel SSR markers and genetic diversity in <i>Pistacia</i> species. <i>BMC genomics</i>, 17, pp.1-14. <a href="https://link.springer.com/article/10.1186/s12864-016-3359-x">https://link.springer.com/article/10.1186/s12864-016-3359-x</a></p>	<p>CUPVSiirt22, CUPVSiirt86, CUPVSiirt115, CUPVSiirt242, CUPVSiirt357, CUPVSiirt358, CUPVSiirt465, CUPVSiirt568</p>	<p>CUPVSiirt22F: CCGTGCCCTTTCTCTCT CUPVSiirt22R: CGCGTGTGCTGCTTTC, CUPVSiirt86F: CGGCTGTTTGTGGCTTG CUPVSiirt86R: TCCTCCTGGTTTGGGTT CUPVSiirt115F: GGTTCGCTCTGGTTTTGG CUPVSiirt115R: CTGCCGTCGTGTGTG CUPVSiirt242F: CGCTTCCTCCCGCC CUPVSiirt242R: TGTGCTCCCGCCCTTCT CUPVSiirt357F: GTGCTTTCGGTGCTT CUPVSiirt357R: GTGGCTGTGCTGCTG CUPVSiirt358F: GCGGGTGGCTGTG CUPVSiirt358R: GGGGGGGGGGGGGGG CUPVSiirt465F: CGTGCCTTCCCTT CUPVSiirt465R: GCTTGTGGGCTCGGGGG CUPVSiirt568F: CCTCGGTTGTGGCTT CUPVSiirt568R: TTGGGCTCCCGCTG</p>

».

**Άρθρο 2****Έναρξη ισχύος**

Η απόφαση αυτή αρχίζει να ισχύει από τη δημοσίευσή της στην Εφημερίδα της Κυβερνήσεως.

Η απόφαση αυτή να δημοσιευθεί στην Εφημερίδα της Κυβερνήσεως.

**Αθήνα, 02/12/2024**

**Ο ΥΦΥΠΟΥΡΓΟΣ**

**ΔΙΟΝΥΣΙΟΣ ΣΤΑΜΕΝΙΤΗΣ**